

	<h2>Anforderung zur molekulargenetischen Untersuchung</h2>	<h2>Anlage 2 zur Verfahrensanweisung Molekularpathologie</h2>
	<p>Name: _____ Vorname: _____ Geb.: _____ Block-Nr.: _____ Einsender: _____ Kostenträger: _____ Anforderungsdatum: _____</p>	<p style="text-align: center;"><b>Institut für Pathologie und MVZ, Bereich Molekularpathologie</b> Universitätsklinikum der RWTH Aachen Pauwelsstraße 30; 52074 Aachen Fax: 0241-8082439 Leitung: Univ.-Prof. Dr. Edgar Dahl Tel.: 0241-8088431 Leitung NGS: Dr. Nadina Ortiz-Brüchle Tel.: 0241-8085825 Labor: Inge Losen/Sandra Reuschenberg Tel.: 0241-8088372 Oliver Dohmen/Marlen Schröder Tel.: 0241-8089860 NGS-Büro: Dr. Angela Maurer Tel.: 0241-8037194 Mélanie Mitchell/Dr. Juan Vélez Tel.: 0241-8089729</p>
<p><b>Indikation:</b> _____ Generell: Bitte die geplante Therapieform (Handelsname des Medikaments oder molekulares Target) angeben.</p>		<p><b>Sonstige Analysen:</b> _____ Bitte kontaktieren Sie uns auch bei Fragen zu unserem erweiterten Untersuchungsspektrum unter 0241-8088372.</p>
<p><b>Next Generation Sequencing</b> (Eine detaillierte Auflistung entnehmen Sie bitte unserer Webseite)</p> <p><input type="checkbox"/> <b>BRCA1 und BRCA2</b> [DNA]  <input type="checkbox"/> <b>NGS-Panel 24 'druggable' Gene (Lungen-, Mamma-, Cholangio.-CA, ...)</b> (AKT1, ALK, AR, BRAF, CTNNB1, DDR2, EGFR, ERBB2 ('HER2'), FGFR3, GNA11, GNAQ, IDH1, IDH2, KIT, KRAS, MAP2K1 (MEK1), MET, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, PTEN, RET, STK11, TP53 [DNA])  <input type="checkbox"/> <b>NGS-Fusions-Panel (Lungen-, Cholangio.-CA, ...)</b> (ALK, BRAF, EGFR, FGFR1/2/3, MET, NRG1, NTRK1/2/3, RET, ROS1 und MET Exon 14 Skipping-Mutation [RNA])  <input type="checkbox"/> <b>NGS-Panel '(near) last line' Patienten zur geplanten MTB-Vorstellung</b> (1,9Mb + komplexe Biomarker [DNA] + Fusionen [RNA])  <b>Bitte separate Patienteneinwilligung (siehe Webseite), sowie EDTA-Blut-Probe beifügen</b></p>		
<p><b>Mutationsanalysen (Gewebe)*</b> <u>Die hier nicht aufgeführten Gene der o.g. DNA-NGS-Panels können auch als Einzelgen-Analyse erfolgen, bitte dazu das Gen im Freitext-Feld angeben</u></p> <p><input type="checkbox"/> <b>BRAF</b> <input type="checkbox"/> Exon 15 inklusive V600E <input type="checkbox"/> Exon 11  <input type="checkbox"/> <b>CTNNB1 (β-Catenin)</b> Exon 3  <input type="checkbox"/> <b>EGFR</b> <input type="checkbox"/> Exons 18, 19, 20, 21  <input type="checkbox"/> <b>ERBB2 (HER2)</b> Exons 19, 20  <input type="checkbox"/> <b>ESR1</b> Exon 8  <input type="checkbox"/> <b>FGFR3</b> Exons 7, 10, 15  <input type="checkbox"/> <b>GNAQ</b> Exon 5  <input type="checkbox"/> <b>GNA11</b> Exon 5  <input type="checkbox"/> <b>HRAS</b> Exon 2, 3, 4  <input type="checkbox"/> <b>IDH1</b> Exon 4  <input type="checkbox"/> <b>IDH2</b> Exon 4  <input type="checkbox"/> <b>KIT</b> <input type="checkbox"/> Exons 9, 11, 13, 17 <input type="checkbox"/> Exons 8, 14, 15 <input type="checkbox"/> Exon 17: D816V  <input type="checkbox"/> <b>KRAS</b> Exons 2, 3, 4  <input type="checkbox"/> <b>MAP2K1 (MEK1)</b> Exon 2  <input type="checkbox"/> <b>MET</b> Exon 14 Skipping Mut. (NGS [RNA])  <input type="checkbox"/> <b>MYD88</b> Exon 5  <input type="checkbox"/> <b>NRAS</b> Exons 2, 3, 4  <input type="checkbox"/> <b>PDGFRA</b> Exons 12, 14, 18  <input type="checkbox"/> <b>PIK3CA</b> Exons 4, 7, 9, 20  <input type="checkbox"/> <b>POLE</b> Exon 9, 10, 11, 12, 13, 14  <input type="checkbox"/> <b>TERT-Promotor</b>  <input type="checkbox"/> <b>TP53</b> <input type="checkbox"/> Exons 5, 6, 7, 8, 9 <input type="checkbox"/> Exons 2, 3, 4, 10, 11</p> <p>*Sanger-Sequenzierung, wenn keine andere Methode erwähnt</p>	<p><b>Fusionen / Translokationen, Amplifikationen / Expression</b></p> <p><input type="checkbox"/> <b>ALK-Rearrangierung</b> <input type="checkbox"/> IHC ggf. FISH <input type="checkbox"/> (NGS [RNA])  <input type="checkbox"/> <b>BCL2-Translokation</b> (FISH)  <input type="checkbox"/> <b>BCL6-Translokation</b> (FISH)  <input type="checkbox"/> <b>BRAF-Fusion</b> (NGS [RNA])  <input type="checkbox"/> <b>DDIT3-Translokation</b> (FISH)  <input type="checkbox"/> <b>EGFR-Fusion</b> (NGS [RNA])  <input type="checkbox"/> <b>ERBB2 (HER2/neu)-Amplifikation</b> (IHC ggf. FISH)  <input type="checkbox"/> <b>EWSR1-Translokation</b> (FISH)  <input type="checkbox"/> <b>FGFR1-Amplifikation</b> (FISH)  <input type="checkbox"/> <b>FGFR2-Amplifikation</b> (FISH)  <input type="checkbox"/> <b>FGFR2-Fusion</b> <input type="checkbox"/> FISH <input type="checkbox"/> (NGS [RNA])  <input type="checkbox"/> <b>FGFR1/2/3-Fusionen</b> (NGS [RNA])  <input type="checkbox"/> <b>MDM2-Amplifikation</b> (FISH)  <input type="checkbox"/> <b>MET-Amplifikation</b> (FISH)  <input type="checkbox"/> <b>MET-Fusion</b> (NGS [RNA])  <input type="checkbox"/> <b>MYB-Translokation</b> (FISH)  <input type="checkbox"/> <b>MYC-Amplifikation</b> (FISH)  <input type="checkbox"/> <b>MYC-Translokation</b> (FISH)  <input type="checkbox"/> <b>NRG1-Fusionen</b> (NGS [RNA])  <input type="checkbox"/> <b>NTRK1/2/3-Fusionen</b> (NGS [RNA])  <input type="checkbox"/> <b>PD-L1</b> (IHC)  <input type="checkbox"/> <b>RET-Rearrangierung</b> <input type="checkbox"/> FISH <input type="checkbox"/> (NGS [RNA])  <input type="checkbox"/> <b>ROS1-Rearrangierung</b> <input type="checkbox"/> FISH <input type="checkbox"/> (NGS [RNA])  <input type="checkbox"/> <b>SS18-Translokation</b> (FISH)  <input type="checkbox"/> <b>t (14;18)-Translokation (BCL2/IGH)</b> (FISH)  <input type="checkbox"/> <b>UroVysion</b> (FISH)  <input type="checkbox"/> <b>USP6-Translokation</b> (FISH)  <input type="checkbox"/> <b>X/Y-Chromosom</b> (FISH)</p>	<p><b>Lungen-Ca.-Diagnostik</b></p> <p><input type="checkbox"/> <b>"First line" Standard</b> (PD-L1, ALK, HER2/ERBB2, EGFR, KRAS, BRAF, RET, ROS1, MET (inkl. E14 Skip.), NTRK)  <input type="checkbox"/> <b>TKI-Resistenz</b> (<input type="checkbox"/> EGFR, <input type="checkbox"/> ALK, <input type="checkbox"/> _____ (weitere))</p> <p><b>Lymphom-Diagnostik</b></p> <p><input type="checkbox"/> <b>B-Klonalität</b>  <input type="checkbox"/> <b>T-Klonalität</b></p> <p><input type="checkbox"/> <b>Identitätstestung</b></p> <p><b>MSI/HNPCC</b></p> <p><input type="checkbox"/> <b>BRAF</b> Exon 15 inkl. V600E  <input type="checkbox"/> <b>MSH2/MLH1/MSH6/PMS2</b> (IHC)  <input type="checkbox"/> <b>MLH1-Promotor-Methylierung</b> (NGS)  <input type="checkbox"/> <b>MSI-Analyse</b> (PCR)</p> <p><b>Erregernachweise</b></p> <p><input type="checkbox"/> <b>Borrelia species</b> (<i>burgdorferi, garinii, afzelii</i>)  <input type="checkbox"/> <b>CMV</b>  <input type="checkbox"/> <b>EBV</b> (IHC ggf. CISH)  <input type="checkbox"/> <b>Fungi</b> (Aspergillus, Candida, weitere)  <input type="checkbox"/> <b>HPV</b>  <input type="checkbox"/> <b>M. tuberculosis</b>  <input type="checkbox"/> <b>Mykobakterien, atyp.</b>  <input type="checkbox"/> <b>SARS-CoV-2</b> (FFPE)  <input type="checkbox"/> <b>Tropheryma whippelii</b></p>