

Ringversuch: **GIST 2017**
im Monat: **Oktober 2017**
Teilnehmer-Nr.: **P000141**
ausgestellt: **2017**



Universitätsklinikum Aachen
Institut für Pathologie
Frau Univ. Prof. Dr.med. Knuechel-Clarke
z. Hd. Frau Losen
Pauwelstr. 30
52074 Aachen

Ringversuchsleiter
PD Dr. Sabine Merkelbach-Bruse
Prof. Dr. W. Dietmaier
Prof. Dr. F. Haller
Dr. R. Penzel

Bonn, den 20.11.17

Zertifikat

Wir bestätigen Ihnen, dass Sie am Ringversuch für
Mutationsanalyse bei Gastrointestinalen Stromatumoren (PCR)
mit Erfolg teilgenommen haben.

GIST Mutationsanalyse

Prof. Dr. med. M. Dietel
für die QuIP

Dr. med. W.J. Geilenkeuser
für das RfB



Veranstalter: Qualitätssicherungs-Initiative Pathologie QuIP GmbH, Robert-Koch-Platz 9, 10115 Berlin, Tel. 030 / 25760 727, Mail: office@quip.eu



in Kooperation mit dem
Referenzinstitut für Bioanalytik - Friesdorfer Str. 153 - D-53175 Bonn
Tel. 0228 / 926895 - 0 - Fax 0228 / 926895-29 - Web: www.dgkl-rfb.de - E-Mail: info@dgkl-rfb.de

GIST Mutationsanalyse (NAT) 2017 - Auswertung

- Ihre Ergebnisse sind mit Punkten gekennzeichnet -
(grün-richtig, gelb-bedingt richtig, rot-fragwürdig)

GIST Mutationsanalyse

[Erfolgsquote 12/15 => 80,0 %]

Fall 1

<i>Mutation</i>	
WT 0	
mutiert 1	
nicht auswertbar 9	

Exon 9

Res.	N
	1
+	14
	0

Exon 11

Res.	N
+	14
	1
	0

Exon 18

Res.	N
+	15
	0
	0

Mutationen:

- c.1504_1509dup 12
- p.A502_Y503dup 10
- p.Ala502_503dup 1
- c.1502_1503insTGCCTA 1
- p.Tyr503_Phe504insAlaTyr 1
- c.1746G>A 1
- p.Trp582* 1
- p.A502_Y503_dup 1
- c.1509_1510insGCCTAT 1
- p.Y503_504insAY 1

Fall 2

<i>Mutation</i>	
WT 0	
mutiert 1	
nicht auswertbar 9	

Exon 9

Res.	N
+	15
	0
	0

Exon 11

Res.	N
+	15
	0

Exon 18

Res.	N
+	15
	0
	0

Mutationen:

- p.W557_E561del 15
- c.1669_1683del 13
- c.1667_1681delAGTGG... 1
- c.1667_1681del 1

Fall 3

<i>Mutation</i>	
WT 0	
mutiert 1	
nicht auswertbar 9	

Exon 9

Res.	N
+	15
	0
	0

Exon 11

Res.	N
+	15
	0

Exon 18

Res.	N
+	15
	0
	0

Mutationen:

- c.1727T>C 15
- p.L576P 15

4 von 4

4 von 4

4 von 4

--	--	--	--

--

GIST Mutationsanalyse (NAT) 2017 - Auswertung

- Ihre Ergebnisse sind mit Punkten gekennzeichnet -
(grün-richtig, gelb-bedingt richtig, rot-fragwürdig)

Fall 4

Mutation		
WT	0	
mutiert	1	
nicht auswertbar		9

Exon 9		
Res.		N
+		15
		0
		0
		0
		0
		0
		0
		0
		0

Exon 11		
Res.		N
+		15
		0
		0
		0
		0
		0
		0
		0
		0

Exon 18		
Res.		N
		0
+		15
		0
		0
		0
		0
		0
		0
		0

Mutationen:

- c.2525A>T 15
- p.D842V 15

Fall 5

Mutation		
WT	0	
mutiert	1	
nicht auswertbar		9

Exon 9		
Res.		N
+		15
		0
		0
		0
		0
		0
		0
		0
		0

Exon 11		
Res.		N
		0
+		15
		0
		0
		0
		0
		0
		0
		0

Exon 18		
Res.		N
+		14
		1
		0
		0
		0
		0
		0
		0
		0

Mutationen:

- p.W557_K558del 15
- c.1669_1674del 14
- c.1667_1672delAGTGGA 1

Fall 6

Mutation		
WT	0	
mutiert	1	
nicht auswertbar		9

Exon 9		
Res.		N
+		15
		0
		0
		0
		0
		0
		0
		0
		0

Exon 11		
Res.		N
+		15
		0
		0
		0
		0
		0
		0
		0
		0

Exon 18		
Res.		N
		2
+		13
		0
		0
		0
		0
		0
		0
		0

Mutationen:

- p.D842_D846delinsN 12
- c.2524_2536delinsA 11
- c.2524_2537delinsA 1
- c.2526_2537del 1
- p.I843_D846del 1

Fall 7

Mutation		
WT	0	
mutiert	1	
nicht auswertbar		9

Exon 9		
Res.		N
+		15
		0
		0
		0
		0
		0
		0
		0
		0

Exon 11		
Res.		N
		0
+		15
		0
		0
		0
		0
		0
		0
		0

Exon 18		
Res.		N
+		14
		1
		0
		0
		0
		0
		0
		0
		0

Mutationen:

- c.1676_1699delinsAGGAGG 12
- p.V559_N567delinsEED 11
- p.V559_N567insEKD 1
- c.1675_1680del 1
- p.Ile563_Asn567delinsAsp 1
- c.1675_1680delGTTGTT 1
- p.Val559_Val560del 1
- c.1675_1695del21 1
- p.V559_G565del 1

4 von 4	4 von 4	4 von 4	4 von 4	
GIST Mutationsanalyse -> 28 von 28 Punkten ✓				