



**Anforderung zur
molekularpathologischen
Untersuchung**

Anlage 2 zur Verfahrensweisung
Molekularpathologie

<p>Name:</p> <p>Vorname:</p> <p>Geb.:</p> <p>Block-Nr.:</p> <p>Einsender:</p> <p>Kostenträger:</p> <p>Anforderungsdatum:</p>	<p>Institut für Pathologie und MVZ, Bereich Molekularpathologie Universitätsklinikum der RWTH Aachen Pauwelsstraße 30; 52074 Aachen Fax: 0241-8082439</p> <p>Leitung: Univ.-Prof. Dr. Edgar Dahl Tel.: 0241-8088431 Stellv. Leitung & NGS: Dr. Nadina Ortiz Brühle Tel.: 0241-8085825 PCR-/NGS-Labor: Inge Losen, Tel.: 0241-8088372 Sandra Reuschenberg</p> <p>FISH-Labor: Oliver Dohmen Tel.: 0241-8088372 NGS-Büro: Angela Maurer Tel.: 0241-8089729</p>
--	--

Indikation: _____
Generell: Bitte die geplante Therapieform (Handelsname des Medikaments oder molekulares Target) bitte angeben.

Sonstige Analysen: _____
Bitte kontaktieren Sie uns auch bei Fragen zu unserem erweiterten Untersuchungsspektrum unter 0241-8088372.

Next Generation Sequencing (Eine detaillierte Auflistung entnehmen Sie bitte unserer Webseite)
 BRCA1 und BRCA2 [DNA]
 NGS-Panel Lungen-Karzinom (24-Gen-Panel) Mutationen [DNA] Fusionen [RNA]
 NGS-Panel atherapierte Patienten (161-Gen-Panel: Mutationen [DNA] und Fusionen [RNA])
 NGS-Fusions-Panel (ALK, BRAF, EGFR, FGFR1/2/3, MET, NRG1, NTRK1/2/3, RET, ROS1 und MET Exon 14 Skipping-Mutation [RNA])

Lymphom-Diagnostik

- B-Klonalität**
- T-Klonalität**

Identitätstestung

HNPCC

- BRAF** Exon 15 inkl. V600E
- MSH2/MLH1/ MSH6/ PMS2** (IHC)
- MLH1-Promotor-Methylierung** (NGS)
- MSI-Analyse** (PCR)

Erregernachweise

- Borrelia species** (*burgdorferi, garinii, afzelii*)
- CMV**
- EBV** (IHC ggf. CISH)
- HPV**
- M. tuberculosis**
- Mykobakterien, atyp.**
- SARS-CoV-2** (FFPE)
- Tropheryma whippelii**

Liquid Biopsy (Blut)

- EGFR (TKI-Resistenz)**
 - T790M (ddPCR)
- Bitte Primärmutation angeben: _____

! Für die Einsendung sind besondere Blutabnahmeröhrchen erforderlich. Diese senden wir Ihnen bei Bedarf gern zu. Bitte beachten Sie hierzu die Zusatzinformationen inklusive Hinweisen zur Handhabung der Röhrchen auf unserer Webseite oder kontaktieren Sie uns bei Fragen unter 0241-8088372.

Mutationsanalysen (Gewebe)*

- BRAF**
 - Exon 15 inklusive V600E
 - Exon 11
 - V600E Mikrometastase Melanom (ddPCR)
- CTNNB1 (β-Catenin)** Exon 3
- EGFR**
 - Exons 18, 19, 20, 21
 - T790M (PCR ggf. ddPCR)
- ERBB2 (HER2)** Exons 19, 20
- ESR1** Exon 8
- FGFR3** Exons 7, 10, 15
- GNAQ** Exon 5
- GNA11** Exon 5
- KIT**
 - Exons 9, 11, 13, 17
 - Exons 8, 14, 15
 - Exon 17: D816V
- KRAS** Exons 2, 3, 4
- MAP2K1 (MEK1)** Exon 2
- MET** Exon 14 Skipping Mut. (NGS [RNA])
- NRAS** Exons 2, 3, 4
- PDGFRA** Exons 12, 14, 18
- PIK3CA** Exons 9, 20
- TERT-Promotor**
- TP53**
 - Exons 5, 6, 7, 8, 9
 - Exons 2, 3, 4, 10, 11

*Sanger-Sequenzierung, wenn keine andere Methode erwähnt

Fusionen / Translokationen, Amplifikationen / Expression

- ALK-Rearrangierung**
 - IHC ggf. FISH NGS (RNA)
- BCL2-Translokation** (FISH)
- BCL6-Translokation** (FISH)
- BRAF-Fusion** (NGS [RNA])
- Chromosom X/Y** (FISH)
- DDIT3-Translokation** (FISH)
- EGFR-Fusion** (NGS [RNA])
- ERBB2 (HER2/neu)-Amplifikation** (IHC ggf. FISH)
- EWSR1-Translokation** (FISH)
- FGFR1-Amplifikation** (FISH)
- FGFR1/2/3-Fusionen** (NGS [RNA])
- MDM2-Amplifikation** (FISH)
- MET-Amplifikation** (FISH)
- MET-Fusion** (NGS [RNA])
- MYC-Amplifikation** (FISH)
- MYC-Translokation** (FISH)
- NRG1-Fusionen** (NGS [RNA])
- NTRK1/2/3-Fusionen** (NGS [RNA])
- RET-Rearrangierung** FISH NGS (RNA)
- ROS1-Rearrangierung** FISH NGS (RNA)
- SS18-Translokation** (FISH)
- PD-L1** (IHC)
- t (14;18)-Translokation (BCL2/IGH)** (FISH)
- UroVysion** (FISH)
- USP6-Translokation** (FISH)