

	Anforderung zur molekularpathologischen Untersuchung	Anlage 2 zur Verfahrensanleitung Molekularpathologie
---	---	---

Name: Vorname: Geb.: Block-Nr.: Einsender: Kostenträger: Anforderungsdatum:	Institut für Pathologie und MVZ, Bereich Molekularpathologie Universitätsklinikum der RWTH Aachen Pauwelsstraße 30; 52074 Aachen Fax: 0241-8082439 Leitung: Univ.-Prof. Dr. Edgar Dahl Tel.: 0241-8088431 Stellv. Leitung & NGS: Dr. Nadina Ortiz Brüchle Tel.: 0241-8085825 PCR-/NGS-Labor: Inge Losen, Tel.: 0241-8088372 Sandra Reuschenberg FISH-Labor: Oliver Dohmen Tel.: 0241-8088372 NGS-Büro: Angela Maurer Tel.: 0241-8089729
---	--

Indikation: _____
 Generell: Bitte die geplante Therapieform (Handelsname des Medikaments oder molekulares Target) bitte angeben.

Sonstige Analysen: _____
 Bitte kontaktieren Sie uns auch bei Fragen zu unserem erweiterten Untersuchungsspektrum unter 0241-8088372.

Next Generation Sequencing (Eine detaillierte Auflistung entnehmen Sie bitte unserer Webseite)
 BRCA1 und BRCA2 [DNA]
 NGS-Panel 24 'druggable' Gene (Lungen-, Mamma-, Cholangio.-CA, ...) (AKT1, ALK, AR, BRAF, CTNNB1, DDR2, EGFR, ERBB2 ('HER2'), FGFR3, GNA11, GNAQ, IDH1, IDH2, KIT, KRAS, MAP2K1 (MEK1), MET, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, PTEN, RET, STK11, TP53 [DNA])
 NGS-Fusions-Panel (Lungen-, Cholangio.-CA, ...) (ALK, BRAF, EGFR, FGFR1/2/3, MET, NRG1, NTRK1/2/3, RET, ROS1 und MET Exon 14 Skipping-Mutation [RNA])
 NGS-Panel austherapierte Patienten (161-Gen-Panel: Mutationen [DNA] und Fusionen [RNA])

Lymphom-Diagnostik
 B-Klonalität
 T-Klonalität

Identitätstestung

MSI/HNPCC
 BRAF Exon 15 inkl. V600E
 MSH2/MLH1/ MSH6/ PMS2 (IHC)
 MLH1-Promotor-Methylierung (NGS)
 MSI-Analyse (PCR)

Mutationsanalysen (Gewebe)*
Die hier nicht aufgeführten Gene der o.g. DNA-NGS-Panels (z.B. IDH1) können auch als Einzelgen-Analyse erfolgen, bitte dazu das Gen im Freitext-Feld angeben
 BRAF
 Exon 15 inklusive V600E
 Exon 11
 V600E Mikrometastase Melanom (ddPCR)
 CTNNB1 (β-Catenin) Exon 3
 EGFR
 Exons 18, 19, 20, 21
 T790M (PCR ggf. ddPCR)
 ERBB2 (HER2) Exons 19, 20
 ESR1 Exon 8
 FGFR3 Exons 7, 10, 15
 GNAQ Exon 5
 GNA11 Exon 5
 KIT
 Exons 9, 11, 13, 17
 Exons 8, 14, 15
 Exon 17: D816V
 KRAS Exons 2, 3, 4
 MAP2K1 (MEK1) Exon 2
 MET Exon 14 Skipping Mut. (NGS [RNA])
 NRAS Exons 2, 3, 4
 PDGFRA Exons 12, 14, 18
 PIK3CA Exons 7, 9, 20
 TERT-Promotor
 TP53
 Exons 5, 6, 7, 8, 9
 Exons 2, 3, 4, 10, 11
 *Sanger-Sequenzierung, wenn keine andere Methode erwähnt

Fusionen / Translokationen, Amplifikationen / Expression
 ALK-Rearrangierung
 IHC ggf. FISH NGS (RNA)
 BCL2-Translokation (FISH)
 BCL6-Translokation (FISH)
 BRAF-Fusion (NGS [RNA])
 DDIT3-Translokation (FISH)
 EGFR-Fusion (NGS [RNA])
 ERBB2 (HER2/neu)-Amplifikation (IHC ggf. FISH)
 EWSR1-Translokation (FISH)
 FGFR1-Amplifikation (FISH)
 FGFR1/2/3-Fusionen (NGS [RNA])
 MDM2-Amplifikation (FISH)
 MET-Amplifikation (FISH)
 MET-Fusion (NGS [RNA])
 MYC-Amplifikation (FISH)
 MYC-Translokation (FISH)
 NRG1-Fusionen (NGS [RNA])
 NTRK1/2/3-Fusionen (NGS [RNA])
 RET-Rearrangierung FISH NGS (RNA)
 ROS1-Rearrangierung FISH NGS (RNA)
 SS18-Translokation (FISH)
 PD-L1 (IHC)
 t (14;18)-Translokation (BCL2/IGH) (FISH)
 UroVysion (FISH)
 USP6-Translokation (FISH)
 X/Y-Chromosom (FISH)

Erregernachweise
 Borrelia species
(burgdorferi, garinii, afzelii)
 CMV
 EBV (IHC ggf. CISH)
 HPV
 M. tuberculosis
 Mykobakterien, atyp.
 SARS-CoV-2 (FFPE)
 Tropheryma whippelii

Liquid Biopsy (Blut)
 EGFR (TKI-Resistenz)
 T790M (ddPCR)
 Bitte Primärmutation angeben: _____
 ! Für die Einsendung sind besondere Blutabnahmeröhrchen erforderlich. Diese senden wir Ihnen bei Bedarf gern zu. Bitte beachten Sie hierzu die Zusatzinformationen inklusive Hinweisen zur Handhabung der Röhrchen auf unserer Webseite oder kontaktieren Sie uns bei Fragen unter 0241-8088372.