UNIKLINIK RWTH AACHEN

DAkkS Deutsche Akkreditierungsstelle D-IS-19163-01-00

DAkkS Deutsche Akkreditierungsstelle D-IS-13154-01-00

Institut für Pathologie
Pauwelsstraße 30
52074 Aachen
Tel.: +49 241 80-89280

Institut für Pathologie am Universitätsklinikum Aachen und Inspektionsstelle Pathologie - Akkreditiert nach DIN EN ISO/IEC 17020, Betriebsstätte Medizinisches Versorgungszentrum des Universitätsklinikums Aachen, gemeinnützige GmbH

Bereich Molekularpathologie

Univ.-Prof. Dr. med. Danny Jonigk

Leitung Molekularpathologie
Dr. rer. medic. Nadina Ortiz Brüchle 0241-8085825

Leitung FISH
PD Dr. Arolt 0241-8035713

Kontakt Labor
Tel.: 0241-8088372
Fax: 0241-8082439

Patientendaten / Kostenträger (ggf. Etikett)

Indikation

_____

_____

Bitte die geplante **zielgerichtete Therapieform** (Wirkstoff oder Handelsname) angeben.

Auftrag an: □ MVZ □ Uniklinik

Entitäten-Bezogene Anforderung*, ** (keine Einzelgenanforderung mehr erforderlich)

Lungenkarzinom-Diagnostik

□ Adjuvanz/Kurativ-Standard *(IHC, DNA-PCR)*
PD-L1, ALK, EGFR

□ Palliative Systemtherapie-Standard *(IHC, DNA, RNA)*
PD-L1, ALK, BRAF, EGFR, ERBB2/HER2, KEAP1, KRAS, STK11, MET (+ E14 Skip.), NTRK, NRG1, RET, ROS1

□ Resistenztestung unter zielgerichteter Therapie
□ EGFR □ KRAS □ ALK
□ Andere_____

Primärmutation: _____

Kolonkarzinom-Diagnostik

□ Systemtherapie-Standard *(IHC/FISH, DNA)*
ERBB2/HER2, MMR, MS-Status, KRAS, NRAS, BRAF

□ HNPCC/Lynch-Diagnostik-Standard *(IHC, DNA)*
Sequenziell: MMR, MS-Status, BRAF, MLH1-Promotor-Methylierung

Mammakarzinom-Diagnostik

□ Systemtherapie-Standard

□ Her2-Status *(IHC, FISH)*: HER2

□ $HR^+/HER2^-$:
□ AKT-Pathway-Inhibitoren (z.B. Capivasertib) *(DNA)*
AKT1, PTEN, PIK3CA
□ ESR1-Inhibitor (z.B. Elacestrant) *(DNA)*: ESR1
□ Liquid Biopsy
→ bitte Besonderheiten beachten

□ $HR^-/HER2^-$ *(IHC)*: PD-L1-Status

Melanom-Diagnostik

□ Systemtherapie-Standard *(DNA)*
BRAF, KIT, NRAS

Ovarial-/Endometriumkarzinom Diagnostik

□ Indikation Olaparib-Erhaltungstherapie
□ High-grade epitheliales Ovarial-Ca *(DNA)*
□ Rezidiv: BRCA1/2
□ Fortgeschritten: BRCA1/2, HRD
□ Endometrium-Ca *(DNA)*
□ MS-Status, ggf. MLH1-PromotorMethylierung
□ TP53
□ POLE

GIST-Diagnostik
(Gastrointestinale Stromatumoren)

□ Systemtherapie-Standard *(DNA, ggf. RNA, ggf IHC)*
Sequenziell: KIT/PDGFRA, BRAF, SDHA, SDHB, NF1/NRAS/KRAS via NGS-Panel

□ Resistenzsetting nach zielgerichteter Therapie
Primärmutation: _____

Prostatakarzinom-Diagnostik

□ Indikation Olaparib-Therapie bei mCRPC (met. kastrationsresistentes Prostata-Karzinom) *(DNA)*
BRCA1/2

Diagnostik Pankreatiko / Hepatobiliäre Karzinome
(nicht Gallenblase)

□ Systemtherapie-Standard
Entität:
□ Pankreas
□ CCC
□ unklar

Pankreas-Karzinom *(IHC, DNA, RNA)*
MMR; MS-Status; KRAS; NTRK

Cholangiozelluläres-Karzinom *(IHC, DNA, RNA)*
MMR; MS-Status; BRAF, IDH1; FGFR2

(near) last line-Diagnostik zur MTB-Vorstellung (Molekulares Tumorboard)

□ 1,9Mb NGS-Panel (TSO500/WES) + komplexe Biomarker *(DNA)* + Fusionen *(RNA)*
→ Bitte Patienteneinwilligung (s. Webseite), sowie EDTA-Blut-Probe und aktuellen Arztbrief mit Therapie beifügen

Fusionen:

□ Fusionen bezüglich tumoragnostisch zugelassener zielgerichtete Substanzen *(RNA)*
NTRK1-3 / RET

Lymphom-Diagnostik

□ B-Zelllymphom
□ T-Zelllymphom

Erregernachweise (Gewebe basiert)

□ Borrelien
□ CMV
□ EBV
□ HPV
□ Mykobakterien
□ Atypische Mykobakterien
□ SARS-CoV-2
□ *Tropheryma whippelii*
□ Mykose_____

Weiteres:

□ Gewebezugehörigkeit
□ Klonaler Abgleich zweier Tumorherde
□ Sonstige Analysen oder Fragestellung:

_____

/ Entität_____

Bitte kontaktieren Sie uns auch bei Fragen zu unserem erweiterten Untersuchungsspektrum unter 0241-8088372.

*Untersuchte Bereiche im Detail sind dem weiteren Beiblatt bzw. Webseite zu entnehmen, für DNA basierte Einzelgenanalysen wird in der Regel eine Fasttrack-Analytik angestrebt, bei geringem Tumoranteil, Liquid Biopsy oder umfänglichen Anforderungen wird auf NGS (Massive Parallel-Sequenzierung) umgestellt.

** Turn-Around-Time bei Probeneingang bis Montag 11:00:
- Fast-Track, sowie MSI, Erreger, B-/T-Zell: 4(-8) Werktage,
- NGS Panel DNA (z.B Lunge) 9-(10) Werktage
- NGS Panel RNA: 10 Werktage
- NGS „near last line“: 14(-21) Werktage

Anforderung zur molekularpathologischen Untersuchung

Version 008, zuletzt „berarbeitet: 02.11.2026

DE.UKAACHEN.FUNDUS-PROD.PATHO-TEMP-017908-008

UNIKLINIK RWTH AACHEN

DAkkS Deutsche Akkreditierungsstelle D-IS-19163-01-00

DAkkS Deutsche Akkreditierungsstelle D-IS-13154-01-00

Institut für Pathologie
Pauwelsstraße 30
52074 Aachen
Tel.: +49 241 80-89280

Institut für Pathologie am Universitätsklinikum Aachen und Inspektionsstelle Pathologie - Akkreditiert nach DIN EN ISO/IEC 17020, Betriebsstätte Medizinisches Versorgungszentrum des Universitätsklinikums Aachen, gemeinnützige GmbH

Bereich Molekularpathologie

Univ.-Prof. Dr. med. Danny Jonigk

Leitung Molekularpathologie
Dr. rer. medic. Nadina Ortiz Brüchle 0241-8085825

Leitung FISH
PD Dr. Arolt 0241-8035713

Kontakt Labor
Tel.: 0241-8088372
Fax: 0241-8082439

Anforderung zur molekularpathologischen Untersuchung

Patientendaten / Kostenträger (ggf. Etikett)

Indikation

_____

_____

_____

Bitte die geplante **zielgerichtete Therapieform** (Wirkstoff oder Handelsname) angeben.

Einzelanalysen bezogene Anforderung

Bitte nur ausfüllen, wenn nicht Entitäten-bezogen angefordert

Multigen-Analysen/Komplexe Biomarker (Auflistung der Gene auf Website unter Diagnostische Methoden)

- □ BRCA1 und BRCA2 *(DNA)*
- □ NGS-Panel 'druggable' Gene *(DNA)*: Primär therapeutisch/klinisch relevante (Treiber-)gene
- □ NGS 'druggable' Fusions-Panel *(Fusionen, RNA)*: 14 Gene, Archer FusionPlex Lung panel
- □ NGS-Panel >1Mb, 500+ Gene (Illumina TruSight Oncology 500 (TSO500) / Exomanalyse (WES) / Genomanalyse (WGS)) zur MTB-Vorstellung: 1,9Mb + komplexe Biomarker *(DNA)*
  → Bitte Patienteneinwilligung (s. Webseite), sowie EDTA-Blut-Probe und aktuellen Arztbrief mit Therapie beifügen
- □ NGS Fusions-Panel *(Fusionen, RNA)*: 137 Gene, Archer FusionPlex Pan Solid v2
- □ HRD-Testung
- □ TMB-Testung

Mutationsanalysen (Gewebe)*

Nicht aufgeführte Gene der genannten DNA-NGS-Panels können als Einzelgen-Analyse angefordert werden. Bitte das gewünschte Gen im Freitext-Feld angeben.

- □ BRAF
  - □ Exon 15 inklusive V600E
  - □ Exon 11
- □ CTNNB1 (ß-Catenin) Exon 3
- □ EGFR Exons 18, 19, 20, 21
- □ ERBB2 (HER2) Exons 19, 20
- □ ESR1 Exon 8
- □ FGFR3 Exons 7, 10, 15
- □ GNAQ Exon 5
- □ GNA11 Exon 5
- □ GNAS Exon 8
- □ HRAS Exon 2, 3, 4
- □ IDH1 Exon 4
- □ IDH2 Exon 4
- □ KIT
  - □ Exons 9, 11, 13, 17
  - □ Exons 8, 14, 15
  - □ Exon 17: D816V
- □ KRAS Exons 2, 3, 4
- □ MAP2K1 (MEK1) Exon 2
- □ MET Exon 14 Skipping *(NGS [RNA])*
- □ MYD88 Exon 5
- □ NRAS Exons 2, 3, 4
- □ PDGFRA Exons 12, 14, 18
- □ PIK3CA Exons 4, 7, 9, 20
- □ POLE Exon 9, 10, 11, 12, 13, 14
- □ RHOA Exon 2
- □ TERT-Promotor
- □ TP53
  - □ Exons 5, 6, 7, 8, 9
  - □ Exons 2, 3, 4, 10, 11

*Sanger-Sequenzierung, wenn keine andere Methode erwähnt

Fusionen / Translokationen, Amplifikationen / Expression

- □ ALK-Rearrangierung
  - □ *IHC/FISH*
  - □ *NGS (RNA)*
- □ BCL2-Translokation *(FISH)*
- □ BCL6-Translokation *(FISH)*
- □ BRAF-Fusion *(NGS [RNA])*
- □ DDIT3-Translokation *(FISH)*
- □ EGFR-Fusion *(NGS [RNA])*
- □ ERBB2(HER2neu)-Amplifikation *(IHC/FISH)*
- □ EWSR1-Translokation *(FISH)*
- □ FGFR1-Amplifikation *(FISH)*
- □ FGFR2-Amplifikation *(FISH)*
- □ FGFR2-Fusion
  - □ *FISH*
  - □ *NGS (RNA)*
- □ FGFR1/2/3-Fusionen *(NGS [RNA])*
- □ FUS-Translokation *(FISH)*
- □ MAML2-Translokation *(FISH)*
- □ MDM2-Amplifikation *(FISH)*
- □ MET-Amplifikation *(FISH)*
- □ MET-Fusion *(NGS [RNA])*
- □ Monosomie 3 *(FISH)*
- □ MYB-Translokation *(FISH)*
- □ MYC-Amplifikation *(FISH)*
- □ MYC-Translokation *(FISH)*
- □ NEKTIN 4-Translokation *(FISH)*
- □ NRG1-Fusionen *(NGS [RNA])*
- □ NTRK1/2/3-Fusionen
  - □ *FISH*
  - □ *NGS (RNA)*
- □ PD-L1 *(IHC)*
- □ PDGFB *(FISH)*
- □ RET-Rearrangierung
  - □ *FISH*
  - □ *NGS (RNA)*
- □ ROS1-Rearrangierung
  - □ *FISH*
  - □ *NGS (RNA)*
- □ SS18-Translokation *(FISH)*
- □ t (11;14)-Translokation (CCND1/IGH) *(FISH)*
- □ t (14;18)-Translokation (BCL2/IGH) *(FISH)*
- □ UroVysion *(FISH)*
- □ USP6-Translokation *(FISH)*
- □ Chromosom X/Y *(FISH)*

Erregernachweise

- □ *Borrelia* species (*burgdorferi*, *garinii*, *afzelii*)
- □ CMV *(IHC)*
- □ EBV *(IHC ggf. FISH)*
- □ Pilze (*Aspergillus*, *Candida*, weitere)
- □ HPV
- □ Mykobakterien
- □ Atypische Mykobakterien
- □ SARS-CoV-2 *(FFPE)*
- □ *Tropheryma whippelii*

Sonstiges Analysen

- □ MSH2/MLH1/ MSH6/PMS2 *(IHC)*
- □ MLH1-Promotor- Methylierung *(NGS)*
- □ MSI-Analyse *(PCR)*
- □ Identitätstestung
- □ B-Klonalität
- □ T-Klonalität

Weitere Gene (nicht aufgeführt, aus NGS):

_____

_____

_____

Version 008, zuletzt überarbeitet: 02.11.2026

DE.UKAACHEN.FUNDUS-PROD.PATHO-TEMP-017908-008